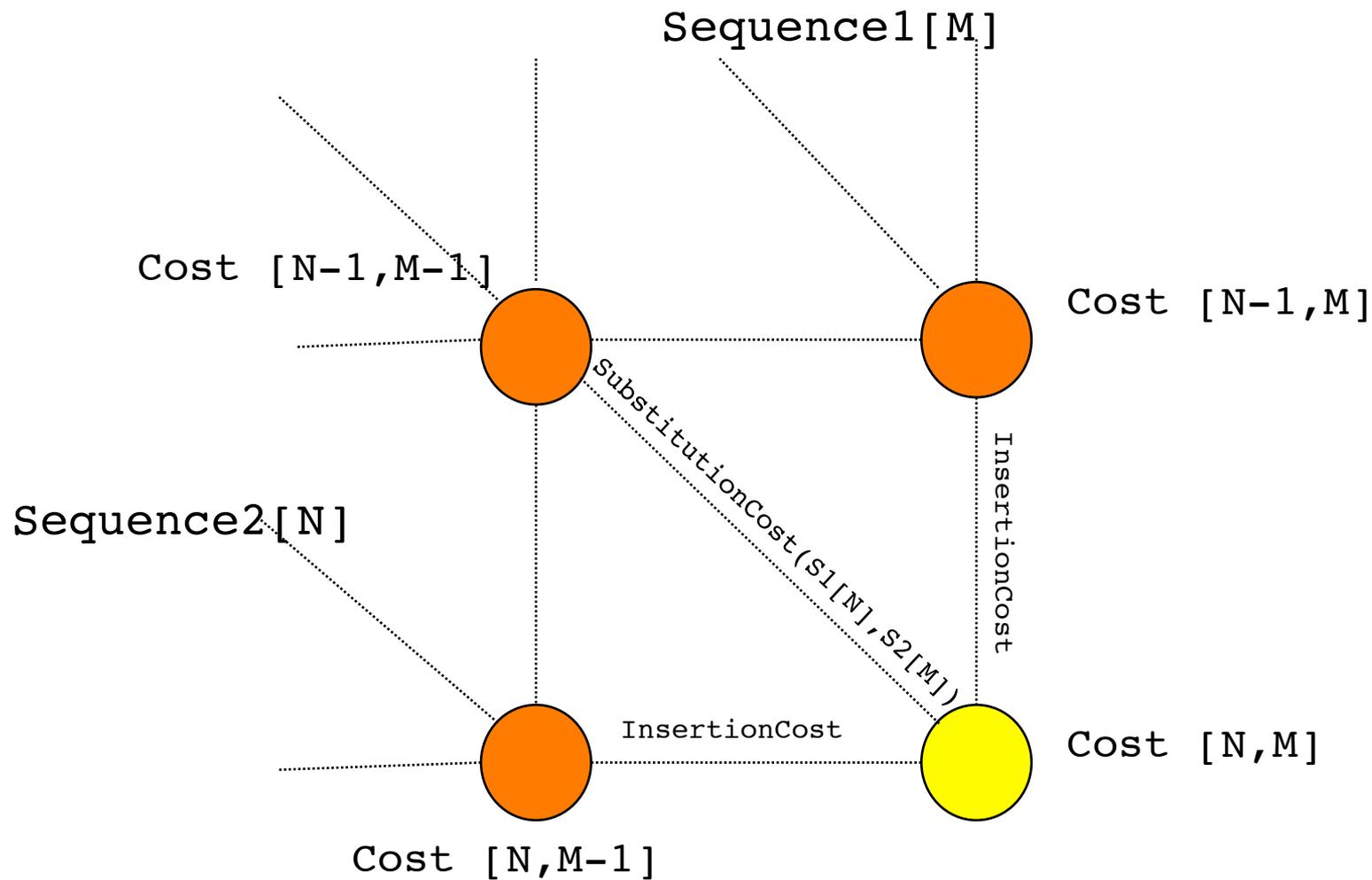


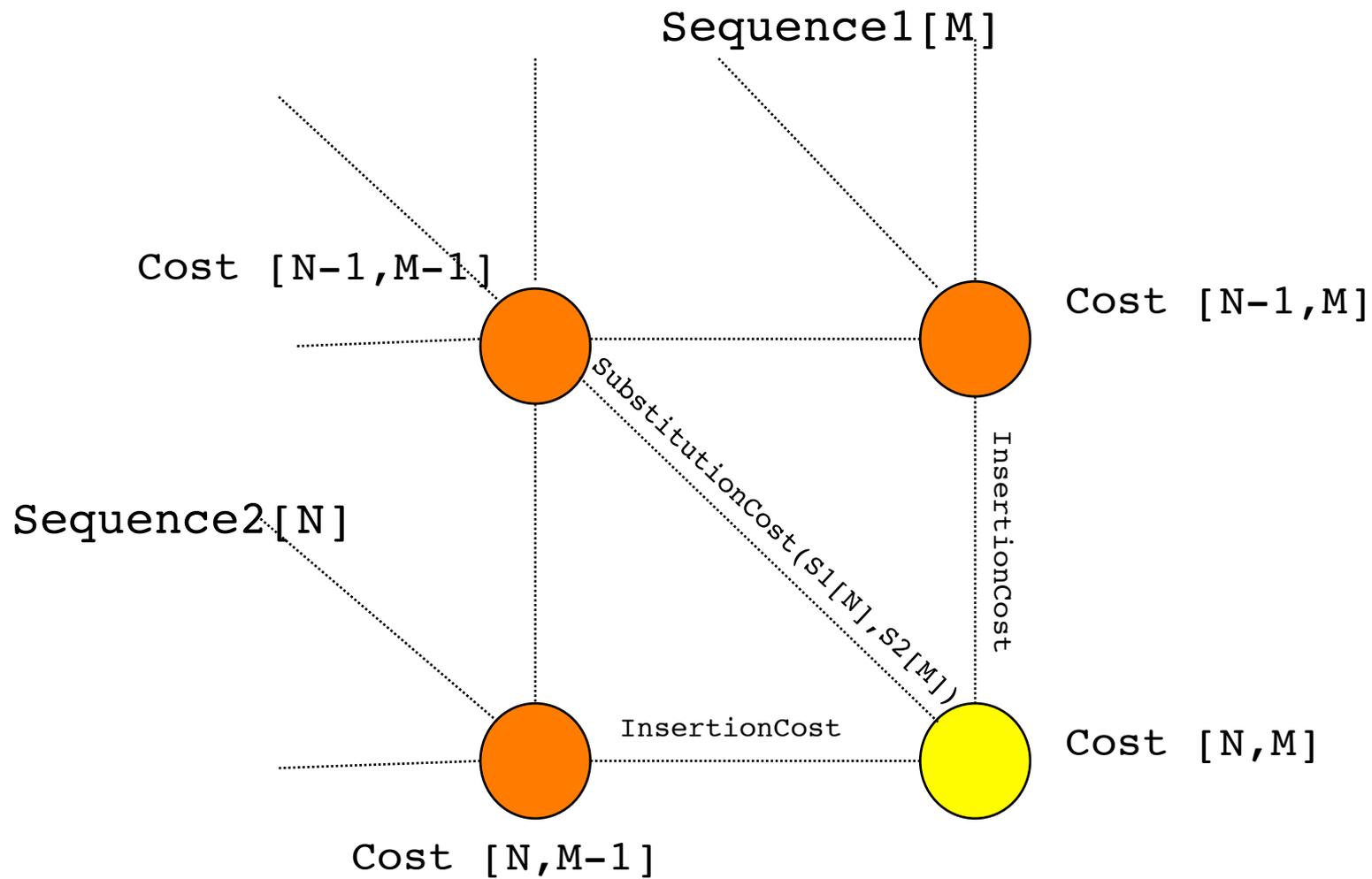
4. Comparaison de séquences

- Comment prédire les fonctions des gènes/protéines ?
- Évolution et similarité de séquences
- Quantifier la similarité de deux séquences
- L'alignement de séquences devient un problème d'optimisation
- Un alignement de séquences vu comme un chemin dans une grille
- Si un chemin est optimal, tous ses chemins partiels sont optimaux
- Coûts et alignement
- **Un algorithme récursif**
- Éviter la récursivité : une version itérative
- Cet algorithme est-il efficace ?



Fonctions récursives

- Une **fonction récursive fait appel à elle-même** au cours même de son exécution
- Deux points à considérer lors de l'écriture d'une telle fonction
 1. Une **condition d'arrêt** doit être testée dès le début de la fonction
 2. Les appels internes au sein de la fonction doivent **s'appliquer sur un problème plus « petit »** que le problème traité par l'exécution courante



Calcul récursif des coûts

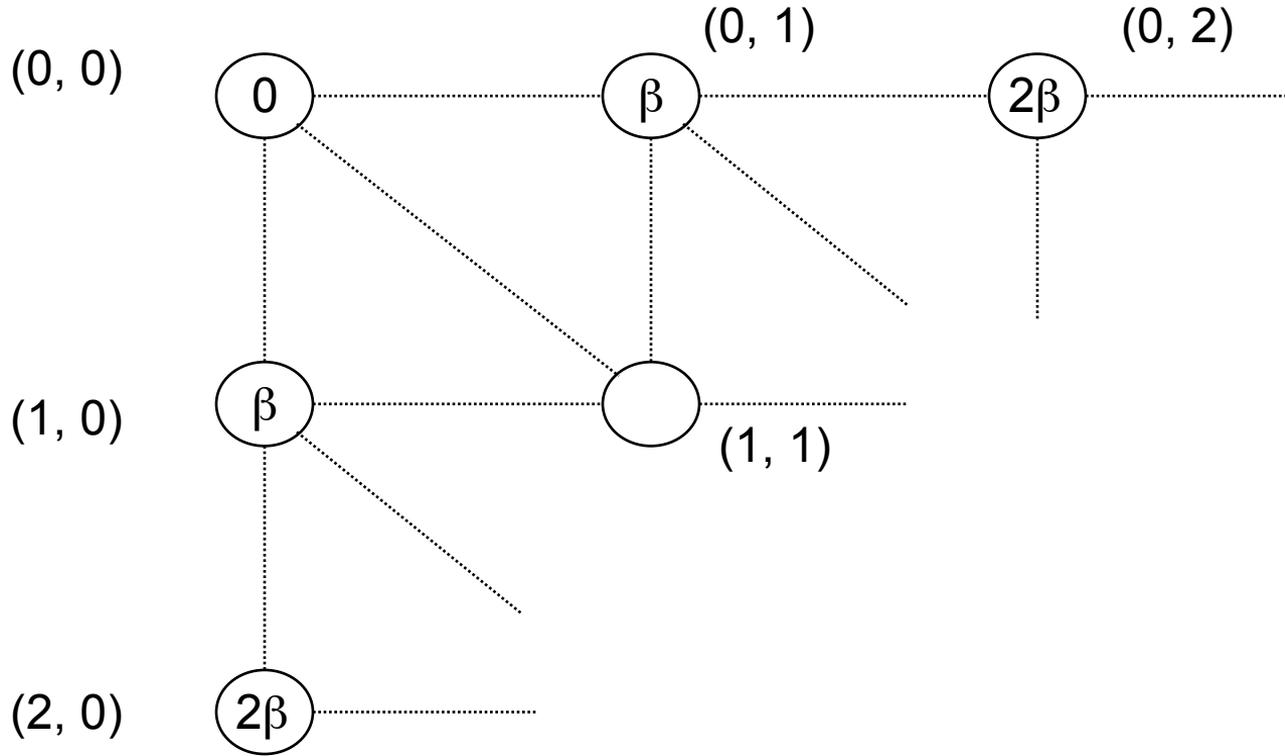
```
function ComputeCost (I, J: integer) returns integer
```

```
    ComputeCost(I-1, J-1) +  
        substitutionCost(Sequence1[I], Sequence2[J])  
    ComputeCost(I, J-1) + InsertionCost  
    ComputeCost(I-1, J) + InsertionCost
```

Calcul récursif des coûts

```
function ComputeCost (I, J: integer) returns integer
  if I = 0 and J = 0 then return 0
  else
    return Min (
      ComputeCost(I-1, J-1) +
        substitutionCost(Sequence1[I], Sequence2[J])
      ComputeCost(I, J-1) + InsertionCost
      ComputeCost(I-1, J) + InsertionCost
    )
```

β : InsertionCost



Calcul récursif des coûts

```
function ComputeCost (I, J: integer) returns integer
  if I = 0 and J = 0 then return 0
  else if I = 0 and J ≥ 1 then return J*InsertionCost
  else if I ≥ 1 and J = 0 then return I*InsertionCost
  else
    return Min (
      ComputeCost(I-1, J-1) +
        substitutionCost(Sequence1[I], Sequence2[J])
      ComputeCost(I, J-1) + InsertionCost
      ComputeCost(I-1, J) + InsertionCost
    )
```